

Analyses bioinformatiques et statistiques des polymorphismes (3 crédits) [Rihet P.]

Code: SBBCU20L

Objectif(s): ????

Volume horaire: 6h de CM - 21h de TD - 0h de TP

Description

Bioinformatique et base de données des polymorphismes - faire le point sur les polymorphismes connus pour un gène - exploiter la séquence pour en déduire des amorces pour la PCR - vérifier la spécificité des séquences identifiées par alignement multiple - analyse de données issues des séquenceurs automatiques à capillaires ou des séquenceurs de nouvelle génération à très haut débit - analyse des déséquilibres de liaisons - analyse d'association des polymorphismes avec un phénotype.

Prérequis

1ère année de master avec une formation initiale en génomique (type Introduction à la génomique BG1.1) et en probabilités et statistiques.